

Méthode de récupération de séquences nucléotidiques à partir de NCBI pour les logiciels GENIEGEN et ANAGENE 2

Rechercher une séquence nucléotidique:

A l'aide du moteur de recherche intégré, rechercher la séquence d'ADN souhaitée.

Sélectionner cette séquence et la copier.

Showing 1.61kb region from base 5246696 to 5248301.

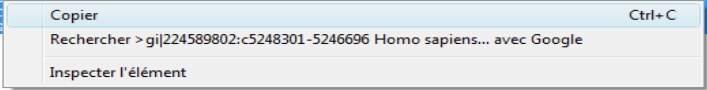
Homo sapiens chromosome 11, GRCh37.p2 primary reference assembly

NCBI Reference Sequence: NC_000011.9

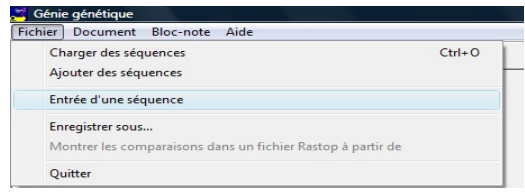
[GenBank](#) [Graphics](#)

>gi|224589802:c5248301-5246696 Homo sapiens chromosome 11, GRCh37.p2 primary reference assembly

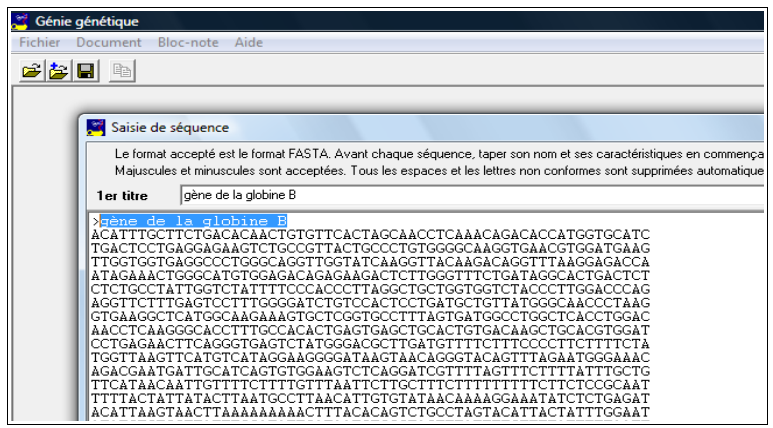
```
ACATTGCTTCTGACACAACCTGTTCTACTAGCAACCTCAAACAGACACCATGGTGCATCTGACTCTGA
GGAGAAGTCTGCCGTTACTGCCCTGTGGGCAAGGTGAACGTGGATGAAGTTGGTGGTGGGCGCTGGGC
AGGTTGGTATCAAGGTTACAAGACAGGTTAAGGAGACCAATGAAACTGGGCATGTGGAGACAGAGAAG
ACTCTGGGTTTCTGATAGGCACTGCTCTGCGCTATTGGCTCTATTTCCACCCCTTAGGCTGCTGG
TGGTCTACGCTTGGAGCAGAGTTCTTGGAGTCTTGGGATCTGGGATCTGGGATCTGGGATCTGGGAT
CAACCTTAAGTGAAGCTTCAAGCAAGAACTCTGGCTGGCTTGGCTTGGCTTGGCTTGGCTTGGCTTGG
AACCTCAAGGCGACCTTGGCACACTGAGTGAAGTGCCTGTGACAAAGCTGCAGTGGATCGTGAAGT
TCAGGCTGAGTCTATGGGACGCTTGAATCTTTCTTCCCTTCTTTCTATGCTTAACTTCAATCTCATG
CAAGGGGATAAGTAAACAGGTTACAGTTTGAATGGGAAACAGACGAATGATTGCATCAGTGTGGAAGTCT
CAGGATCGTTTGTCTTTTATTGCTGTTCATAACAATGTTTCTTTGTTTAACTTCTGCTTTCT
TTTTTTTCTTCTCCGCAATTTTACTATTATACTTAATGCCTTAACATTTGATATAACAAAAGGAATA
TCTCTGAGATACATTAAGTAACTTAAAAAAAACCTTACACAGTCTGCCTAGTACATTACTATTGGAAT
ATATGTGCTTATTGCAATTCATAAATCTCCCTAGTTTATTTTCTTTTATTTTTAAATGATACATAAT
CATTATACATATTATGGCTTAAGTGAAGTATTATATGCTACACATATTGACCAAAACAGGTTAA
TTTGGATTTGAAATTAABAAAGGTTTCTGCTTAAATAGTATTGTTTAACTTAACTTAACTTAACT
CTTCCGTAATCTTTCTTTCAGGCAATAATGATACAAATGATCATGCCTTTGCACCATCTAAG
AATAACACTGATAATTTCTGGTTAAGGCAATAGCAATATCTCTGCATATAAATTTCTGCATATAAT
TGAACCTGATGAAGGTTTCAATTTGCTAATAGCAGCTCAATCCAGCTACCATCTGCTTTATTT
ATGTTGGGATAAGGCTGATTATTCTGAGTCCAAGCTAGGCCCTTTTCTAATCATGTTTCATACCTTT
ATCTTCCCTCCACAGCTCTGGCAAGCTGCTGGTCTGTGTGCTGGCCATCACTTTCATCAAAAATTTCA
CCGACCTGAGGCTGCTATCAGAACTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGG
CT
GG
```



Entrer la séquence dans Géniegen:



Renommer la séquence

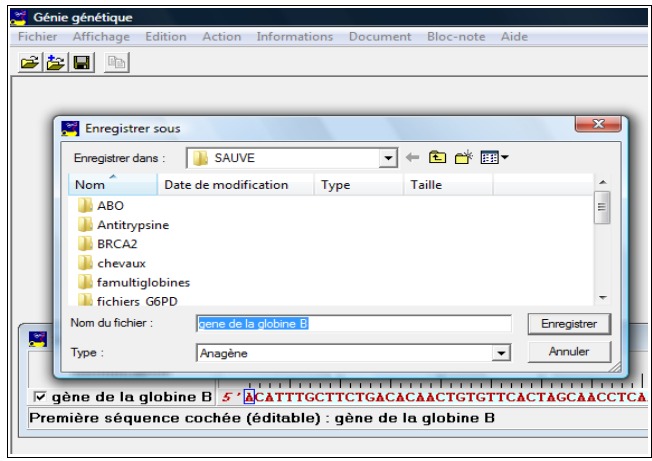


Enregistrer la séquence sélectionnée:

Enregistrer sous le format Anagène.

(Vous aurez alors un fichier .edi qui sera exploitable par Anagène et GenieGen)

Fichier - Enregistrer sous



(Le téléchargement directement par ANAGENE est **impossible**, il faut utiliser un logiciel intermédiaire appelé MEGA 4.1. Ce logiciel est complexe. GENIEGEN reste la solution la plus facile pour télécharger des séquences nucléotidiques pour ANAGENE).

