**Document : les conditions d’une étude épidémiologique**

*Etude financée par l’institut Pasteur, l’institut national du cancer et l’institut de veille sanitaire (2014)*

*Institut Pasteur, INSERM, Sorbonne Universités, Groupe hospithalier Pitié-Salpêtrière Paris.*

L’infection par les papillomavirus humains (HPV) est fréquente chez les jeunes femmes. L’infection persistante par des HPV à haut risque oncogène(HPV-HR) peut conduire au cancer du col de l’utérus.À ce jour,plus de 150 génotypes de HPV ont été décrits etenviron 40 d’entre eux infectent le tractus génital.

En France, le dépistage du cancer du col est un dépistage individuel, il est recommandé de faire un frottis tous les trois ans entre 25 et 65 ans. Des expérimentations de dépistage organisé ont été mises en place et ont constitué une opportunité pour obtenir des échantillons de frottis réalisés en milieu liquide sur lesquels effectuer un génotypage des HPV.

Les résultats présentés décrivent la distribution des HPV-HR dans les frottis en fonction de leur grade cytologique et les taux de prévalence en fonction de l’âge des femmes. Il s’agit de la première grande étude française de génotypage des HPV dans le cadre d’unprogramme organisé de dépistage du cancer du colutérin

* Nombre total d’échantillons reçus au Centre national de référence des papillomavirus humains (***n*=6539**)
* Nombre d’échantillons analysés avec la technique PapilloCheck® (***n*=6361**) : 178 prélèvements non conformes, prélevés plus de 4 semaines avant arrivée au génotypage, donc non utilisables
* Nombre de prélèvements conclusifs (***n*=6189**) : 172 non conclusifs (contamination, inhibiteurs de PCR, …) donc génotypage impossible

Les frottis normaux ont été collectés selon quatre classes d’âgesdes femmes : 25 à 29 ans, 30-39 ans ; 40-49 ans etplus de 50 ans.

**Résultat des frottis :**

**Normal 3 023**

**HSIL 867: lésions précancéreuses**

**Les résultats suivants ne sont pas détaillés dans les fichiers fournis**

**ASC-US 1 070 lésions mineures**

**LSIL 1 179 lésions mineures**

**Cancer 50**

Plusieurs groupes d’infection HPV ont été définis pour les analyses, mais dans les résultats proposés ici seuls 2 groupes sont analysés :

1. infection avec HPV 16 et/ou HPV 18, indépendamment de la présence d’une infection avec un autre génotype,
2. infection avec des HPV-HR autres que les génotypes HPV 16 et/ou HPV 18